Thesis Title

Proportion of Dengue Serotype 2 Virus Subtype IIIa and IIIb in

Bangkok, Thailand in 1994

**Author** 

Miss Rungtawan Sriburi

M.Sc.

Microbiology

## **Examining Committee:**

Assoc. Prof. Dr. Niwat	Maneekarn	Chairman
Dr. Prida	Malasit	Member
Dr. Boonyos	Raengsakulrach	Member
Assoc. Prof. Dr. Nopporn	Sittisombut	Member

## **Abstract**

The first epidemic of dengue hemorrhagic fever in Thailand was recognized in 1958 in Bangkok. Since then more than one serotype of dengue viruses have been isolated in each epidemic season, but the serotype 2 viruses are detected almost every year. Nucleotide sequence analysis of the envelope gene of dengue serotype 2 viruses, which circulated in Bangkok in 1980 and 1987, indicates that dengue serotype 2 viruses can be divided into two subtypes (IIIa and IIIb). The proportion of the two subtypes was 3: 2 in 1980 and 18: 1 in 1987, respectively. The purpose of this study was to determine the proportion of the subtypes IIIa and IIIb which circulated in

Bangkok during 1994. Twenty-four dengue serotype 2 isolates and patient sera were obtained from the Armed Forces Research Institute of Medical Sciences, Bangkok. The envelope gene was amplified by polymerase chain reaction (PCR) and the PCR products hybridized with five pairs of oligonucleotide probe and a reference probe. For each virus the intensity of the hybridization signal derived from a specific probe was divided by that of a reference probe to obtain the adjusted volume ratio and the maximum optical density ratio. The sensitivity and specificity of each specific probe were determined using a set of serotype 2 viruses with known envelope gene sequences. When the lowest levels of adjusted volume ratio against the corresponding set of viruses were employed as the cutoff points (sensitivity of 100%), the specificity of most probes were 100%. Only one probe, 141-IIIa, exhibited the specificity of 80%. When the lowest levels of maximum optical density ratio were employed as the cutoff points, the specificity was detected at the 100% level with only seven probes. Two pairs of oligonucleotide probes (484-IIIa, 484-IIIb, 491-IIIa and 491-IIIb) appeared to give the highest levels of sensitivity and specificity for detecting the subtype IIIa and IIIb viruses by the hybridization analysis. When all five pairs of specific probe were reacted with 24 dengue serotype 2 viruses found during the 1994 epidemic season, four pairs of probe typed all viruses from 1994 as subtype IIIa. Only the probe 491-IIIa failed to identify one (out of 20) strain as the subtype IIIa strain. When the probe 346-IIIa-87, which was specific for subtype IIIa viruses of the 1987 epidemic season, was hybridized with the 1994 strains, all of the subtype IIIa strains found in Bangkok during 1994 were reacted strongly with this probe. This observation indicated that all of subtype IIIa found in Bangkok during 1994 in this study might be direct descendants of the 1987 precursors.

ชื่อวิทยานิพนธ์

สัคส่วนของเชื้อไวรัสเด็งกี่ซีโรทัยปี 2 ชนิดซับทัยปี IIIa และซับทัยปี IIIb ในกรุงเทพมหานคร ในปี ค.ศ. 1994

ผู้เขียน

นางสาวรุ้งตะวัน ศรีบุรี

วิทยาศาสตรมหาบัณฑิต

สาขาจุลชีววิทยา

## คณะกรรมการสอบวิทยานิพนธ์:

รศ. คร. นิวัตน์ มณีกาญจน์ ประธานกรรมการ

อ. นพ. ปรีคา มาลาสิทธิ์ กรรมการ

คร. บุญยศ เรื่องสกุลราช กรรมการ

รศ. นพ. นพพร สิทธิสมบัติ กรรมการ

## บทคัดย่อ

การระบาดของโรคไข้เลือดออกในกรุงเทพฯเริ่มพบเป็นครั้งแรกในปี ค.ศ. 1958 และยังคำเนินต่อเนื่องถึงปัจจุบัน ในการระบาดแต่ละปีที่ผ่านมาสามารถเพาะเลี้ยงเชื้อ ไวรัสเด็งกี่จากผู้ป่วยได้มากกว่าหนึ่งซีโรทัยป์เสมอ แต่เชื้อเด็งกี่ซีโรทัยป์ 2 เป็นเชื้อที่พบได้ แทบทุกปี การวิเคราะห์ลำดับเบสของส่วนที่กำหนดโปรตีนเอ็นเวโลปของเชื้อเด็งกี่ซีโรทัยป์ 2 ที่ระบาดในปี ค.ศ. 1980 และ 1987 บ่งชี้ว่าเชื้อเด็งกี่ซีโรทัยป์ 2 ในกรุงเทพฯแบ่ง ออกเป็น 2 ซับทัยป์ (ซับทัยป์ IIIa และ IIIb) ซึ่งมีการกระจายตัวที่ไม่เสมอกันในแต่ละปี คือ พบเป็นสัดส่วน 3 : 2 ในปี ค.ศ. 1980 และ 18 : 1 ในปี ค.ศ. 1987 ตามลำดับ การ ศึกษาครั้งนี้มีวัตถุประสงค์ที่จะวัดสัดส่วนของเชื้อเด็งกี่ซีโรทัยป์ 2 ชนิดซับทัยป์ IIIa และ

Шь ที่ระบาดในกรุงเทพฯในปี ค.ศ. 1994 เพื่อตรวจสอบการเปลี่ยนแปลงของการกระจาย ตัวของเชื้อเด็งกี่ทั้งสองซับทัยป์ตามระยะเวลาของการระบาด ได้นำเชื้อเด็งกี่ซีโรทัยป์ 2 ที่ แพร่ระบาดในกรุงเทพฯในปี ค.ศ. 1994 จำนวน 24 ตัวอย่างจากสถาบันวิจัยวิทยาศาสตร์ มาทำการเพิ่มจำนวนส่วนที่กำหนดโปรตีนเอ็นเวโลปโดยวิธีโพลีเมอเรส เชนรีแอคชั่น แล้วให้ทำปฏิกิริยากับตัวตรวจหา (probe) ที่จำเพาะต่อเชื้อไวรัสแต่ละซับ ทัยป์จำนวน 5 คู่และตัวตรวจหาอ้างอิง, วัคความเข้มของสัญญาณ, คำนวณหาสัดส่วนความ เข้มของสัญญาณจากตัวตรวจหาที่จำเพาะเทียบกับตัวตรวจหาอ้างอิง และแสดงค่าเป็นสัด ส่วนของปริมาตร (adjusted volume ratio) และสัคส่วนความทึบแสงสูงสุด (maximum optical density ratio) โดยได้ศึกษาความไวและความจำเพาะของตัวตรวจหากับกลุ่มเชื้อที่ ทราบลำดับเบสเสียก่อน เมื่อใช้ค่าสัดส่วนต่ำสุดของปริมาตรที่ได้จากปฏิกิริยาของตัวตรวจ หากับเชื้อในซับทัยป์ที่ตรงกันเป็นเกณฑ์แยก (ความไว 100%) พบความจำเพาะของตัว ตรวจหาส่วนใหญ่เป็น 100% ยกเว้นตัวตรวจหา 141-IIIa ซึ่งมีความจำเพาะเพียง 80% เมื่อ ใช้ค่าสัดส่วนต่ำสุดของความทึบแสงสูงสุดเป็นเกณฑ์ พบมีตัวตรวจหาเพียง 7 ตัวที่ให้ความ จำเพาะ 100% ตัวตรวจหาที่มีค่าความไวและความจำเพาะสูงสุดจากการศึกษากับกลุ่มเชื้อ ที่ทราบลำคับเบส 29 สายพันธุ์ได้แก่ 141-Ma, 141-Mb, 491-Ma และ 491-Mb เมื่อนำตัว ตรวจหาทั้ง 5 คู่ทำปฏิกิริยากับเชื้อเด็งกี่ซีโรทัยป์ 2 จากปี ค.ศ. 1994 จำนวน 24 ตัวอย่าง พบว่าตัวตรวจหา 4 คู่จำแนกเชื้อไวรัสเค็งกี่ซีโรทัยป์ 2 เป็นซับทัยป์ IIIa ทั้งหมค โคยตัว ตรวจหา 491-IIIa ไม่สามารถจำแนกเชื้อเด็งกี่หนึ่งตัวอย่างว่าเป็นซับทัยป์ IIIa เมื่อใช้ตัว ตรวจหา 346-IIIa-87 ที่จำเพาะต่อเชื้อเด็งกี่ซับทัยป์ IIIa ที่ระบาคในปี ค.ศ. 1987 ทำ ปฏิกิริยากับเชื้อไวรัสที่ระบาดในปี ค.ศ. 1994 พบว่าเชื้อเค็งกี่ซับทัยป์ IIIa ทุกตัวทำ ปฏิกิริยากับตัวตรวจหานี้ได้อย่างดี ผลการทคลองนี้แสดงว่าเชื้อเด็งกี่ที่ระบาดในปี ค.ศ. 1994 น่าจะสืบทอคมาจากเชื้อต้นตอที่เคยระบาดในกรุงเทพฯระหว่างปี ค.ศ. 1987